

Genomics of Gene Expression Lab

¿Te apasiona la bioinformática y quieres formarte en un laboratorio de proyección internacional? El laboratorio Genómica de la Expresión Génica (@Conesalab) está de vuelta en Valencia, con muchos proyectos, ilusión y ansioso de contar con gente como tú

El laboratorio de Genómica de la Expresión Génica (<http://conesalab.org/>) es un grupo multidisciplinar en bioinformática y biología computacional liderado por Ana Conesa en el I2SysBio y Sonia Tarazona en la UPV. Nuestro laboratorio desarrolla métodos estadísticos y herramientas bioinformáticas para el análisis de datos ómicos. Herramientas como Blast2GO, NOISeq, Qualimap o SQANTI son ejemplos de nuestros desarrollos. Actualmente el equipo estudia la integración de datos multi-ómicos, el análisis de datos de secuenciación de tercera generación y la funcionalidad del *Microbial Dark Matter*. Dentro de estas temáticas existen posibilidades para prácticas, TFG y TFM. Algunos posibles proyectos son:

1. **IsoAnnot**: Pipeline para la anotación funcional de isoformas generadas por secuenciación de long-reads. Aplicación a diferentes sets de datos
2. **SQANTI3**: Métodos para la cuantificación de la expresión génica con datos de Pacbio y Nanopore
3. **Multiomics**: Métodos estadísticos para la integración de datos multi-ómicos con diferentes tamaños muestrales.
4. **MAMBA**: Integración de ChiP-seq, RNA-seq y metabolómica para estudiar la regulación epigenética del metabolismo
5. Evaluación de datos de single-cell RNA-seq y single-cell ATAC-seq

Otros proyectos son posibles dependiendo de tu interés y conocimientos previos

Si tienes interés, por favor rellena el siguiente formulario

<https://forms.gle/Nf5essERSnu68oBZ7>

y contacta con nosotros en ana.conesa@csic.es, sotacam@eio.upv.es o en @Conesalab

Software

